



Appel d'offres 2014 «Analyse bio-informatique pour la recherche en biologie»

A l'issue de la sélection finale, 11 projets ont été retenus pour cet appel d'offres :

Demandeur	Laboratoire	Ville	Titre du Projet
Thomas BOURGERON	CNRS URA2182 -Institut Pasteur	Paris	Comprendre l'hétérogénéité génétique de l'autisme
Rémy BURCELIN	INSERM 1048	Toulouse	Identification d'un réseau moléculaire entre le microbiote intestinal et les miRNA et long non coding RNA du tissu adipeux
Marlène DREUX	CNRS UMR5308 - INSERM U1111 – Ecole Normale Supérieure	Lyon	Etude fonctionnelle des interactions génétiques entre le virus de la dengue et son vecteur moustique par évolution expérimentale
Martin DUTERTRE	CNRS UMR 3348 - Institut Curie -	Paris	Régulation de la polyadénylation alternative dans la réponse et la résistance aux agents anticancéreux génotoxiques
Anne HOUDUSSE-JUILLE	Institut Curie	Paris	Structure des moteurs myosines et dynamiques des transitions de leur cycle moteur en vue de concevoir des inhibiteurs et des activateurs spécifiques
Josselin HOUENOU	INSERM U 955 – Institut Mondor	Créteil	Etude multicentrique internationale et multimodale de la neuro-anatomie du trouble bipolaire
Saadi KHOCHBIN	INSERM - Institut Albert Bonniot	La Tronche	Le décodage d'un nouveau langage d'histone dans la programmation du génome mâle

Stéphane LEMAIRE	CNRS UMR 8226 – Université Pierre et Marie Curie	Paris	Analyse, Visualisation et Modélisation Computationnelle des Réseaux de Signalisation Redox
Jean LIVET	Centre de Recherche Institut de la Vision	Paris	Analyse automatisée d'images tridimensionnelles couleur pour le traçage haut-débit de la circuiterie neuronale et du lignage cellulaire
Sylvie RICARD-BLUM	CNRS UMR 5086 – Université Lyon 1	Lyon	L'interactome de la matrice extracellulaire : au carrefour des pathologies
Bruno SARGUEIL	CNRS UMR 8015 - Université Paris Descartes	Paris	Approche comparatives haut-débit pour la modélisation de l'architecture 3D des ARN à partir de données expérimentales